

Филогеографическая структура ареалов и изменчивость бамбуковых куфий подрода *Viridovipera* фауны Индокитая**Научный руководитель – Поярко́в Николай Андреевич*****Идиятуллина Сабир Шамильевна****Студент (бакалавр)*

Московский государственный университет имени М.В.Ломоносова, Биологический факультет, Кафедра зоологии позвоночных, Москва, Россия

E-mail: idsbr158@mail.ru

Наша работа посвящена изучению изменчивости бамбуковых куфий подрода *Viridovipera* Malhota et Thorpe (род *Trimeresurus* Lacépède: Reptilia, Viperidae, Crotalinae). Эти змеи населяют горные леса Юго-Восточной и Восточной Азии и ведут, в основном, древесный образ жизни. Подрод *Viridovipera* включает до семи таксонов: *V. stejnegeri stejnegeri*, *V. stejnegeri chenbihuii*, *V. vogeli*, *V. gumprehti*, *V. medoensis*, *V. truongsongensis*, *V. yunnanensis*. Материал нашей работы включил 151 пробу четырех видов *Viridovipera* из 43 локалитетов с территории Таиланда, Лаоса, Вьетнама и Китая. Мы исследовали изменчивость двух генов мтДНК (*cytb* и *ND4*) и двух генов яДНК (белок-кодирующие гены *cmos* и *NT3*). Филогению реконструировали по байесовскому алгоритму (в программе MrBayes 3.2.2), сети гаплотипов строили в программе PopART, а mismatch-анализ был проведен с помощью приложения DnaSP (среда R). Генетические дистанции подсчитывали в программе MEGA 6.0.

Полученная филогения подтвердила монофилию подрода *Viridovipera* при условии включения в его состав вида *Sinovipera sichuanensis* из Сычуани, который мы предлагаем рассматривать в составе подрода *Viridovipera*. Таким образом, по нашим данным, *Viridovipera* включает семь видов куфий.

В составе *V. stejnegeri* выделяется западная и восточная клады, каждая из которых включает три (S1-S3) и пять (S4-S8) генетических линий, соответственно. Интересно отнесение к *V. stejnegeri* популяции с правого берега р. Хонгха во Вьетнаме (провинция Футхо). Анализ сетей гаплотипов и демографический анализ предполагает недавний рост численности для линии S3 (северный Вьетнам). Валидность подвида *V. s. chenbihuii* не подтверждается.

Viridovipera vogeli имеет разорванный ареал в горных районах Вьетнама, Лаоса, Таиланда и Камбоджи, разделенный долиной р. Меконг. В составе вида было выявлено шесть линий: линия V1 обитает в восточном Таиланде, а все остальные населяют Аннамские горы во Вьетнаме: северном (V4), центральном (V3, V5, V6) и южном (V2, V4). Клады из центрального Вьетнама (V3, V5) представлены наибольшим разнообразием гаплотипов; для них также показан рост численности в прошлом. Наоборот, популяция из Таиланда (V1) состоит из трёх близких гаплотипов, т.е. генетически обеднена.

В пределах *V. gumprehti* выявлено две клады: западная G1 (Юньнань) и восточная G2 (северный Таиланд, Лаос и северный Вьетнам), причём последняя представлена большим числом значительно дивергировавших гаплотипов. Между двумя пробами *V. truongsongensis* из карстовых районов центрального Вьетнама и Лаоса обнаружена значительная генетическая дифференциация (3,7%). Таксономический статус ряда выявленных линий нуждается в пересмотре. Результаты работы представляют интерес для оценки таксономического разнообразия ямкоголовых змей Азии и имеют значение для исследования биогеографии Индокитая.